



# COMISIÓN DE RECURSOS GENÉTICOS PARA LA ALIMENTACIÓN Y LA AGRICULTURA

## Tema 5 del programa provisional

### 19.<sup>a</sup> reunión ordinaria

Roma, 17-21 de julio de 2023

## INFORMACIÓN DIGITAL SOBRE SECUENCIAS Y RECURSOS GENÉTICOS PARA LA ALIMENTACIÓN Y LA AGRICULTURA

### ÍNDICE

	Párrafos
I. Introducción .....	1-3
II. Función de la información digital sobre secuencias en la alimentación y la agricultura ....	4-16
III. Taller mundial acerca de la información digital sobre secuencias y los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura .....	17-18
IV. Novedades en otros foros .....	19-38
V. Regulación del acceso y la distribución de beneficios con respecto a la información digital sobre secuencias de recursos genéticos .....	39-44
VI. Orientación que se solicita .....	45

## I. INTRODUCCIÓN

1. La Comisión de Recursos Genéticos para la Alimentación y la Agricultura (CRGAA), en su 16.<sup>a</sup> reunión ordinaria, estableció una nueva línea de trabajo relativa a la información digital sobre secuencias (IDS)<sup>1</sup>. Al considerar la función de la IDS para la seguridad alimentaria, la Comisión convino, en su 17.<sup>a</sup> reunión ordinaria, en que es preciso seguir examinando la IDS de recursos genéticos para la alimentación y la agricultura (RGAA)<sup>2</sup>. En su 18.<sup>a</sup> reunión ordinaria, la Comisión tomó nota de las aplicaciones reales y potenciales de la IDS para la conservación y el uso sostenible de los RGAA y recalzó las oportunidades de innovación que ofrece la IDS para la investigación y el desarrollo de los RGAA, así como los desafíos a que se enfrentan muchos países en la creación de la capacidad técnica, institucional y humana necesaria para utilizar esta información con fines de investigación y desarrollo<sup>3</sup>.

2. La Comisión pidió a la Secretaria de la Comisión que:

- preparara un documento en el que se reflejaran las principales prácticas y experiencias sobre cómo generar, almacenar y acceder a la IDS y el modo de utilizarla en la investigación y el desarrollo de los RGAA, incluida la pertinente información relativa a la protección de la propiedad intelectual<sup>4</sup>;
- presentara al Convenio sobre la Diversidad Biológica (CDB) una lista de ejemplos sobre las aplicaciones reales y potenciales de la IDS pertinentes para la conservación y la utilización sostenible de los RGAA<sup>5</sup>;
- organizara un taller entre reuniones, en colaboración con los instrumentos y organizaciones pertinentes, a fin de sensibilizar a las partes interesadas correspondientes sobre la función de la IDS para la conservación y la utilización sostenible de los RGAA y la distribución de los beneficios derivados de estos, abordar el estado actual de la IDS de RGAA, presentar las posibles consecuencias que podrían tener las tecnologías conexas en la investigación y el desarrollo de los recursos genéticos y examinar los desafíos vinculados con el acceso a la IDS y el pleno uso de ella<sup>6</sup>;
- continuara realizando un seguimiento de las novedades respecto de la IDS en otros foros, con vistas a:
  - considerar las implicaciones de dichas novedades para el acceso a los RGAA, su utilización y la distribución de los beneficios derivados de los mismos, con miras a determinar, según proceda, aspectos fundamentales que debieran tomarse en consideración al abordar la IDS, crear un entorno que propicie y facilite el acceso a los RGAA, así como crear capacidad de generar, utilizar y compartir datos para la conservación, el desarrollo y la utilización sostenible de los RGAA y de acceder a tales datos<sup>7</sup>;
  - contribuir al análisis de las opciones debatidas en el marco del CDB, incluidos los mecanismos multilaterales de acceso y distribución de beneficios (ADB), e informar sobre las implicaciones para los RGAA, en particular las posibles oportunidades, los desafíos y las lagunas vinculados con las diferentes opciones, para su consideración por los grupos de trabajo técnico intergubernamentales (grupos de trabajo), el Equipo de especialistas en ADB y la Comisión en sus siguientes reuniones, con vistas a futuros trabajos<sup>8</sup>.

---

<sup>1</sup> CGRFA-16/17/Report Rev.1, párr. 86.

<sup>2</sup> CGRFA-17/19/Report, párr. 23.

<sup>3</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 32.

<sup>4</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 35.

<sup>5</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 36.

<sup>6</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 38.

<sup>7</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 39.

<sup>8</sup> CGRFA-18/21/Report, párr. 37.

3. El presente documento proporciona información sobre la generación de IDS, su almacenamiento, el acceso a dicha información y el uso de la misma para fines de investigación y desarrollo relacionados con los RGAA (Sección II). En él se informa sobre el taller mundial entre reuniones acerca de la IDS y los RGAA celebrado en noviembre de 2022 (Sección III), se ofrece un resumen de las novedades pertinentes producidas en otros foros (Sección IV) y se recogen los debates en curso sobre la forma en que debe regularse el ADB con respecto a la IDS (Sección V). Para más información sobre la generación de IDS, su almacenamiento, el acceso a dicha información y el uso de la misma, véase el proyecto de estudio titulado *The role of digital sequence information for the conservation and sustainable use of genetic resources for food and agriculture: Opportunities and challenges* (Función de la información digital sobre secuencias en la conservación y la utilización sostenible de los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura: oportunidades y desafíos)<sup>9</sup>.

## II. LA FUNCIÓN DE LA INFORMACIÓN DIGITAL SOBRE SECUENCIAS EN LA ALIMENTACIÓN Y LA AGRICULTURA

### *Definición de información digital sobre secuencias de recursos genéticos*

4. No existe una definición universalmente acordada de IDS de recursos genéticos. El ámbito de la IDS puede abarcar desde las secuencias de ácido desoxirribonucleico (ADN) y de ácido ribonucleico (ARN) hasta las secuencias de proteínas, los metabolitos y otras macromoléculas, y puede comprender la información y los conocimientos tradicionales conexos. Los distintos intentos realizados hasta la fecha para alcanzar un consenso en torno a la definición de IDS o a la terminología que debería emplearse no han fructificado en ningún acuerdo. Reconociendo que existen distintas interpretaciones del concepto y el alcance de la IDS de recursos genéticos, así como distintas opiniones sobre la necesidad de definir dicho concepto y su alcance, la Conferencia de las Partes (COP) en el CDB, en su 15.<sup>a</sup> reunión, acordó seguir empleando el término “información digital sobre secuencias” en sus sucesivos debates<sup>10</sup>. Por consiguiente, el término “IDS” se utiliza en el presente documento como un término marcador de posición para el que actualmente no existe un sustituto o una definición precisa consensuada.

5. Tal y como se informó a la Comisión en su última reunión, el Grupo especial de expertos técnicos en información digital sobre secuencias de recursos genéticos, establecido en la 14.<sup>a</sup> reunión de la COP en el CDB, consideró el posible alcance de la IDS y la dividió en tres grupos, basándose en el grado de procesamiento biológico y la proximidad al recurso genético subyacente. En el grupo 1 se incluyeron el ADN y el ARN. En el grupo 2, además del ADN y el ARN, se incluyeron las proteínas y las modificaciones epigenéticas, y en el grupo 3, además de todo lo incluido en los grupos 1 y 2, se incluyeron los metabolitos y otras macromoléculas. La información asociada, es decir, la que no es información genética y bioquímica, como los conocimientos tradicionales asociados a recursos genéticos, los datos sobre comportamiento y la información sobre las relaciones ecológicas, no se consideró IDS<sup>11</sup>.

6. Cualquier definición que se haga de la IDS corre el riesgo de no dar cabida a futuros avances tecnológicos. Heinemann, Coray y Thaler (2018) proponen, por consiguiente, que la IDS, o el término que finalmente se acuerde, abarque el tipo de información contenida actualmente en las bases de datos o que pudiera añadirse a estas, y que esté contrastada por la revista científica *Nucleic Acids Research*<sup>12</sup>. La revista *Nucleic Acids Research* (NAR) es una revista científica de acceso abierto revisada por pares que se publica desde 1974. En 1991, NAR comenzó a publicar en su primer número de cada año una perspectiva general de las bases de datos biológicas.

7. El acuerdo en torno a una definición de la IDS dependerá en última instancia de las normas sobre el acceso a dicha información y sobre la distribución de los beneficios derivados de la misma y, viceversa, el diseño de esas normas dependerá de lo que finalmente se considere IDS. Utilizada en el contexto de los RGAA, la IDS de RGAA puede referirse a la IDS derivada de los RGAA. Sin embargo, la investigación y el desarrollo de los RGAA y la IDS de RGAA pueden perfectamente

<sup>9</sup> CGRFA-19/23/5/Inf.1.

<sup>10</sup> CBD/COP/DEC/15/9, párr. 1.

<sup>11</sup> CBD/DSI/AHTEG/2020/1/7.

<sup>12</sup> Estudio informativo n.º 68.

implicar materiales genéticos e IDS que no sean de RGAA. La cuestión de si la IDS de RGAA incluye la IDS de organismos que no sean RGAA (por ejemplo, la IDS sobre nuevos rasgos derivada de organismos que no sean RGAA), cuando esta se utilice en la investigación y el desarrollo de los RGAA, es una cuestión pendiente de resolución.

### ***Importancia de la información digital sobre secuencias para la alimentación y la agricultura***

8. Las aplicaciones actuales y potenciales de la IDS demuestran que la generación de IDS, su almacenamiento, el acceso a dicha información y el uso de la misma son fundamentales para la caracterización de todo tipo de biodiversidad en la alimentación y la agricultura, al tiempo que también son instrumentos importantes para lograr una agricultura sostenible. Los ejemplos de las aplicaciones reales y potenciales de la IDS pertinentes para la conservación y utilización sostenible de los RGAA examinados por los grupos de trabajo de la Comisión en 2021<sup>13</sup> indican claramente la importancia de la IDS y de las tecnologías conexas para todos los subsectores de los RGAA. Heinemann, Coray y Thaler (2018) no observaron diferencias reales o potenciales significativas en las características de las tecnologías tal y como se aplican en los diferentes subsectores de los RGAA.

9. Como había solicitado la Comisión, la Secretaria de la Comisión presentó al CDB la lista consolidada de ejemplos<sup>14</sup> con el fin de proporcionar información sobre la posible importancia futura de la IDS para la caracterización, conservación, utilización sostenible, y justa y equitativa distribución de beneficios, así como su importancia y posibles repercusiones para los RGAA.

10. Como se indicó en el proyecto de estudio titulado *The role of digital sequence information for the conservation and sustainable use of genetic resources for food and agriculture: Opportunities and challenges* (Función de la información digital sobre secuencias en la conservación y la utilización sostenible de los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura: oportunidades y desafíos)<sup>15</sup>, los avances en la secuenciación del ADN traen consigo la posibilidad de mejorar la seguridad alimentaria y el uso sostenible de la biodiversidad mundial, beneficiando con ello a las personas del mundo en mayor situación de pobreza<sup>16</sup>. Numerosas publicaciones demuestran la repercusión de los estudios relacionados con la IDS en la investigación y el desarrollo de los RGAA. Las ciencias ómicas son un conjunto de herramientas y técnicas que permiten a los investigadores recopilar datos sobre sistemas biológicos en una escala muy grande o casi completa<sup>17</sup>. Comprenden la secuenciación de genomas individuales y genomas de comunidades (genómica, metagenómica), la caracterización y cuantificación de la expresión génica (transcriptómica, metatranscriptómica), la abundancia de metabolitos (metabolómica), el contenido de proteínas (proteómica) y la fosforilación (fosfoproteómica). Las tecnologías ómicas pueden impulsar la ingeniería genética, por ejemplo, en plantas y microorganismos, el conocimiento y la vigilancia de los ecosistemas y la salud humana y animal.

11. Las búsquedas realizadas en la base de datos bibliográfica CAB Abstracts del Centro Internacional para la Agricultura y las Ciencias Biológicas (CABI), que contiene 10,9 millones de registros, revelaron muchos ejemplos de publicaciones que demostraban la importante contribución de la IDS a la mejora de la producción de cultivos y a la mitigación de enfermedades emergentes y el cambio climático. Las búsquedas en la base de datos pusieron de manifiesto un aumento del número de publicaciones sobre IDS, que pasaron de 20 000 en 2002 a 1 180 915 en 2022 (casi el 12 % de los registros). Se examinó la literatura científica centrada en la mitigación del cambio climático y la mejora de rendimientos de los principales cultivos del mundo. Entre los ejemplos encontrados se incluyen: el hallazgo de genes candidatos para la mejora de la tolerancia al estrés abiótico en el trigo, la contribución de la IDS al avance en la comprensión y el manejo de la tolerancia a la sequía y al calor en el arroz, el uso de tecnologías de IDS para aumentar la producción de granos y el contenido de almidón en el maíz, así como el desarrollo de la resistencia a enfermedades y la tolerancia a la

---

<sup>13</sup> CGRFA-18/21/5, Cuadro 2.

<sup>14</sup> CBD/WG2020/3/INF/9.

<sup>15</sup> CGRFA-19/23/5/Inf.1.

<sup>16</sup> Cowell, C., Paton, A., Borrell, J. S., Williams, C., Wilkin, P., Antonelli, A., Baker, W. J. *et al.* 2022. *Uses and benefits of digital sequence information from plant genetic resources: Lessons learnt from botanical collections.* *Plants People Planet*, 4: 33-43. <https://doi.org/10.1002/ppp3.10216>.

<sup>17</sup> Hurgobin, B. y Lewsey, M. G. 2022. Applications of cell- and tissue-specific 'omics to improve plant productivity. *Emerging Topics in Life Sciences*, 6: 163-173. <https://doi.org/10.1042/ETLS20210286>.

sequía y a la sal en el garbanzo con la ayuda de la IDS. Estos ejemplos indican que la IDS desempeña una función cada vez más importante en la investigación encaminada a mitigar el cambio climático, mejorar la producción de cultivos y reducir las repercusiones de las enfermedades.

12. En resumen, la IDS se utiliza ampliamente en todos los subsectores de los RGAA. La IDS es un componente habitual de casi toda la investigación en materia de ciencias biológicas. Por lo tanto, la IDS de recursos genéticos es fundamental para el desarrollo de productos, así como para la mejora de los RGAA, y se prevé un aumento de su importancia, especialmente porque cada vez se dispondrá de una mayor cantidad de IDS en relación con los RGAA (tenga esta o no su origen en los RGAA).

### ***Generación y almacenamiento de IDS***

13. La IDS es básicamente el resultado de tecnologías de secuenciación que se han vuelto más rápidas, económicas y precisas en los últimos años<sup>18</sup>. Los datos se conservan en múltiples lugares, en bases de datos públicas y privadas. Una cantidad importante de IDS se almacena en unas 1 700 bases de datos y repositorios de información biológica e información conexa de acceso público de todo el mundo. La Colaboración Internacional de Bases de Datos de Secuencias de Nucleótidos (INSDC), constituida por GenBank (Estados Unidos de América), el Archivo Europeo de Nucleótidos (Reino Unido de Gran Bretaña e Irlanda del Norte) y la base de datos de ADN de Japón, proporciona la infraestructura clave para la IDS de disponibilidad pública. Las tres bases de datos intercambian datos de manera periódica y mantienen una copia actualizada de toda la información publicada. De las bases de datos privadas se sabe poco.

### ***Acceso a las bases de datos públicas***

14. La INSDC tiene una política uniforme de intercambio de datos de acceso gratuito e ilimitado a todos los registros, sin restricciones de uso, requisitos de licencia o tasas sobre la distribución o utilización. Se pueden depositar secuencias patentadas en la INSDC. No obstante, la INSDC no añade a los registros declaraciones que restrinjan el acceso a los datos, limiten el uso de la información contenida en los registros o prohíban ciertos tipos de publicaciones basadas en los registros<sup>19</sup>.

### ***Uso de la IDS***

15. El acceso sin restricciones a las bases de datos públicas no significa que la IDS pueda ser utilizada por todos de la misma manera. Se necesita una gran capacidad técnica, institucional y humana para acceder a este tipo de información y hacer uso de su potencial de innovación. Aunque en grado diferente y dependiendo de su estado de desarrollo tecnológico, muchos países en desarrollo carecen de acceso a la infraestructura técnica y a los recursos financieros y humanos necesarios para explotar plenamente el potencial que ofrece la IDS. Entre las circunstancias que pueden influir en el acceso a la IDS y el uso de dicha información figuran la escasez de bioinformáticos cualificados y de pericia informática, de oportunidades de formación y capacitación y de colaboraciones científicas, aunque también influyen factores como la falta de infraestructuras informáticas, un suministro eléctrico fiable y acceso a Internet de alta velocidad. Para facilitar el uso de la IDS con fines de investigación y desarrollo en los países en desarrollo, es necesario, por tanto, crear o desarrollar capacidades, apoyar la transferencia de tecnología, las colaboraciones y asociaciones de investigación, reforzar la infraestructura científica y proporcionar los fondos necesarios.

16. Íntimamente relacionados con el reto de la capacidad técnica, institucional y humana necesaria para acceder a la IDS y hacer uso de ella, están los retos relativos al almacenamiento, la distribución y las herramientas de análisis. Dado el crecimiento exponencial de los datos genómicos, la infraestructura de almacenamiento y distribución de la IDS podría cambiar en el futuro. En la actualidad, el costo de estas infraestructuras se sufraga mayoritariamente con fondos públicos.

---

<sup>18</sup> Sarah, A. Laird, S. A. y Wynberg, R. P. 2018. *A Fact-Finding and Scoping Study on Digital Sequence Information on Genetic Resources in the Context of the Convention on Biological Diversity and the Nagoya Protocol*. CBD/SBSTTA/22/INF/3. Montreal (Canadá), Secretaría del Convenio sobre la Diversidad Biológica.

<sup>19</sup> Arita, M., Karsch-Mizrachi, I. y Cochrane, G. en nombre de la Colaboración Internacional de Bases de Datos de Secuencias de Nucleótidos. 2021. The international nucleotide sequence database collaboration. *Nucleic Acids Research*, 49(D1): D121-D124. <https://doi.org/10.1093/nar/gkaa967>.

### III. TALLER MUNDIAL ACERCA DE LA INFORMACIÓN DIGITAL SOBRE SECUENCIAS Y LOS RECURSOS GENÉTICOS PARA LA ALIMENTACIÓN Y LA AGRICULTURA

17. Tal como solicitó la Comisión, se celebró un taller mundial acerca de la información digital sobre secuencias y los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura, que tuvo lugar de forma virtual los días 14 y 15 de noviembre de 2022. El taller fue organizado conjuntamente con el CDB, el Tratado Internacional sobre los Recursos Fitogenéticos para la Alimentación y la Agricultura (el Tratado), el CABI y la Iniciativa de bancos de germoplasma del Grupo Consultivo para la Investigación Agrícola Internacional (CGIAR). Asistieron más de 500 participantes de todas las regiones. El taller añadió un componente importante a una serie de talleres y seminarios web sobre la IDS celebrados durante los tres últimos años, incluidos los organizados por el CDB<sup>20</sup>. Aunque el primer día las ponencias y el subsiguiente debate giraron en torno a la función de la IDS en la conservación y la utilización sostenible de los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura, el segundo día el taller se centró en las opiniones de las partes interesadas en relación con el acceso, el uso y la distribución de los beneficios derivados de la IDS. Asimismo, el segundo día el taller abordó también la cuestión de la IDS en el contexto de la soberanía sobre los datos de los Pueblos Indígenas y los principios, marcos y retos asociados.

18. El taller creó conciencia entre las partes interesadas pertinentes del sector de la alimentación y la agricultura acerca de la función de la IDS en la conservación y la utilización sostenible de los RGAA y la distribución de los beneficios de ellos derivados. Analizó el estado de utilización de la IDS en los sectores alimentario y agrícola y examinó las posibles repercusiones que las tecnologías conexas podrían tener en la investigación y el desarrollo de los RGAA. El taller trató también los retos relacionados con el acceso a la IDS y el pleno uso de la misma. Los enlaces a la retransmisión en línea y las ponencias se encuentran disponibles en la página web del taller<sup>21</sup>.

### IV. NOVEDADES EN OTROS FOROS

19. En su última reunión, la Comisión pidió a la Secretaría que continuara realizando un seguimiento de las novedades producidas en otros foros en relación con la IDS<sup>22</sup>. En la actualidad, la IDS se está debatiendo en diversos foros, en particular el CDB y el Protocolo de Nagoya, la Convención de las Naciones Unidas sobre el Derecho del Mar, la Organización Mundial de la Salud (OMS) y la Organización Mundial de la Propiedad Intelectual (OMPI).

#### *Convenio sobre la Diversidad Biológica/Protocolo de Nagoya*

20. La COP en el CDB, en su 13.ª reunión, y la Conferencia de las Partes que actúa como reunión de las Partes en el Protocolo de Nagoya (COP-MOP), en su segunda reunión, aprobaron decisiones en cuanto a la IDS en las que se reconoció la necesidad de un enfoque sobre este asunto coordinado y sin duplicaciones en el marco del Convenio y del Protocolo de Nagoya<sup>23</sup>. Las Partes Contratantes acordaron un proceso para facilitar la consideración de este asunto, que comprendía lo siguiente: consultas con gobiernos, Pueblos Indígenas y comunidades locales, así como organizaciones y partes interesadas pertinentes<sup>24</sup>; la preparación de un estudio de investigación y delimitación del alcance para aclarar la terminología y los conceptos y evaluar el alcance y las condiciones de la utilización de la IDS en el contexto del CDB y el Protocolo de Nagoya<sup>25</sup>; y la creación de un grupo especial de expertos técnicos para considerar, entre otras cosas, el alcance técnico y las repercusiones jurídicas y científicas de la terminología existente relativa a la IDS<sup>26</sup>.

<sup>20</sup> <https://www.cbd.int/article/dsi-webinar-series-2020>.

<sup>21</sup> [https://www.fao.org/cgrfa/meetings/dsi\\_workshop\\_2022/es](https://www.fao.org/cgrfa/meetings/dsi_workshop_2022/es).

<sup>22</sup> CGRFA-18/21/Report, párrs. 37 y 39.

<sup>23</sup> Decisiones CBD COP XIII/16 y NP-2/14.

<sup>24</sup> Véase *Synthesis of views and information on the potential implications of the use of digital sequence information on genetic resources for the three objectives of the Convention and the objective of the Nagoya Protocol* (CBD/SBSTTA/22/INF/2 y CBD/DSI/AHTEG/2018/1/2/Add.1).

<sup>25</sup> Véase *Fact-finding and scoping study on digital sequence information on genetic resources in the context of the Convention on Biological Diversity and the Nagoya Protocol* (CBD/DSI/AHTEG/2018/1/3).

<sup>26</sup> Véase *Report of the Ad Hoc Technical Expert Group on Digital Sequence Information on Genetic Resources* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/7).

21. En su 14.<sup>a</sup> reunión, la COP examinó las posibles repercusiones de la utilización de la IDS para los tres objetivos del CDB y se comprometió a trabajar para resolver la divergencia de opiniones entre las Partes sobre la distribución de beneficios derivados del uso de la IDS<sup>27</sup>. La COP puso en marcha un proceso que comprendía la presentación de opiniones e información por las Partes<sup>28</sup>, el encargo de cuatro estudios<sup>29</sup> y la reunión de un Grupo especial de expertos técnicos<sup>30</sup>. Se decidió que las conclusiones del Grupo especial de expertos técnicos fueran examinadas por el Grupo de trabajo de composición abierta sobre el Marco mundial de la diversidad biológica posterior a 2020 (GTCA), el cual debía formular recomendaciones a la COP, en su 15.<sup>a</sup> reunión, sobre cómo abordar la IDS en el contexto del Marco mundial de la diversidad biológica posterior a 2020, y presentar sus conclusiones a la COP-MOP en su cuarta reunión. La COP-MOP, en su tercera reunión, acogió con satisfacción el proceso puesto en marcha por la COP.<sup>31</sup>

22. El GTCA examinó la cuestión de la IDS en la primera parte (virtual) de su tercera reunión, celebrada en agosto de 2021, y en la segunda parte de la reunión, celebrada en marzo de 2022 en Ginebra. Aprobó una recomendación sobre la IDS de recursos genéticos, que también incluía un anexo con un proyecto de decisión para su consideración por la COP y una recomendación a la COP-MOP de examinar la recomendación del GTCA así como cualquier decisión que preparara la COP en su 15.<sup>a</sup> reunión<sup>32</sup>. En su cuarta reunión, celebrada en junio de 2022, el GTCA prosiguió su examen del proyecto de decisión de la COP sobre la IDS y aprobó una recomendación con elementos para un proyecto de decisión de la COP, y decidió celebrar una quinta reunión en diciembre de 2022<sup>33</sup>. La quinta reunión del GTCA tuvo lugar del 3 al 5 de diciembre de 2022<sup>34</sup>.

23. Asimismo, en la primera parte de la tercera reunión del GTCA, los Copresidentes del GTCA, junto con la Secretaria Ejecutiva del CDB, establecieron un grupo oficioso de asesoramiento de los Copresidentes en materia de IDS de recursos genéticos (GOA). El GOA celebró cinco reuniones virtuales entre septiembre y noviembre de 2021 y llevó a cabo una evaluación de las consecuencias de los posibles enfoques de política, opciones o modalidades de participación en los beneficios derivados de la utilización de la IDS de recursos genéticos, y determinó áreas de posible convergencia y áreas de divergencia, así como áreas de trabajo adicional sobre IDS<sup>35</sup>. En la segunda parte de su tercera reunión, el GTCA pidió que el GOA se ampliase con representantes de la comunidad científica de investigación, el sector privado, las organizaciones de la sociedad civil, y bases de datos sobre IDS de recursos genéticos, y que siguiera trabajando en la evaluación de las consecuencias de los posibles enfoques de política, opciones o modalidades de participación en los beneficios derivados de la utilización de la IDS de recursos genéticos<sup>36</sup>. El GOA celebró ocho reuniones virtuales y continuó trabajando en la evaluación de las consecuencias de los posibles enfoques de política, opciones o modalidades de distribución de beneficios<sup>37</sup>. Tras la cuarta reunión del GTCA, el GOA celebró cinco reuniones virtuales con el fin de evaluar las opciones de políticas propuestas utilizando una matriz con criterios previamente acordados<sup>38</sup>.

---

<sup>27</sup> Decisión CBD COP 14/20.

<sup>28</sup> *Compilation of views and information on digital sequence information on genetic resources submitted pursuant to paragraphs 9 and 10 of decision 14/20* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/INF/1).

<sup>29</sup> Véase *Synthesis of views and information related to digital sequence information on genetic resources* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/2); *Digital sequence information on genetic resources: concept, scope and current use* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/3); *Combined study on digital sequence information in public and private databases and traceability* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/4); *Fact-finding Study on How Domestic Measures Address Benefit-sharing Arising from Commercial and Non-commercial Use of Digital Sequence Information on Genetic Resources and Address the Use of Digital Sequence Information on Genetic Resources for Research and Development* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/5).

<sup>30</sup> *Report of the Ad Hoc Technical Expert Group on Digital Sequence Information on Genetic Resources* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/7).

<sup>31</sup> CBD/NP/MOP/DEC/3/12.

<sup>32</sup> Recomendación WG2020-3/2.

<sup>33</sup> Recomendación WG2020-4/2.

<sup>34</sup> CBD/WG2020/REC/5/2.

<sup>35</sup> CBD/WG2020/3/INF/8.

<sup>36</sup> Recomendación WG2020-3/2.

<sup>37</sup> CBD/WG2020/4/INF/4.

<sup>38</sup> CBD/WG2020/5/INF/1.

24. La 15.<sup>a</sup> reunión de la COP concluyó con la adopción del Marco Mundial de Biodiversidad de Kunming-Montreal<sup>39</sup>, cuyo objetivo C y cuya meta 13 se refieren a la IDS en el contexto de la participación justa y equitativa en los beneficios que se deriven de la utilización “de los recursos genéticos y de la información digital sobre secuencias de recursos genéticos”. La COP convino, asimismo, en que “los beneficios que se deriven de la utilización de información digital sobre secuencias de recursos genéticos deberían compartirse de manera justa y equitativa” y decidió “establecer, como parte del Marco Mundial de Biodiversidad de Kunming-Montreal, un mecanismo multilateral de participación en los beneficios que se deriven de la utilización de información digital sobre secuencias de recursos genéticos, incluido un fondo mundial”<sup>40</sup>. La COP estableció un grupo de trabajo especial de composición abierta sobre participación en los beneficios que se deriven de la utilización de IDS de recursos genéticos, que se encargará de seguir desarrollando el mecanismo multilateral, incluidos los elementos señalados en un anexo a la decisión (véase el Recuadro 1), y de formular recomendaciones a la COP en su 16.<sup>a</sup> reunión.

25. La COP acordó también que la “solución para la participación justa y equitativa en los beneficios que se deriven de la utilización de información digital sobre secuencias de recursos genéticos debería, entre otras cosas: a) ser eficaz, viable y práctica; b) generar más beneficios, tanto monetarios como no monetarios, que costos; c) ser efectiva; d) proporcionar seguridad y claridad jurídica a los proveedores y usuarios de información digital sobre secuencias de recursos genéticos; e) no obstaculizar la investigación y la innovación; f) ser coherente con el acceso abierto a los datos; g) no ser incompatible con las obligaciones jurídicas internacionales; h) apoyarse mutuamente con otros instrumentos de acceso y participación en los beneficios; i) tener en cuenta los derechos de los pueblos indígenas y las comunidades locales, incluido con respecto a los conocimientos tradicionales asociados a los recursos genéticos que poseen”<sup>41</sup>. Asimismo, reconoció que los beneficios monetarios y no monetarios derivados de la utilización de IDS de recursos genéticos deberían, en particular, usarse para apoyar la conservación y la utilización sostenible de la diversidad biológica y, entre otras cosas, para beneficiar a los Pueblos Indígenas y las comunidades locales. La COP también decidió examinar todos estos criterios, incluida la eficacia del mecanismo multilateral, en su 18.<sup>a</sup> reunión (2028).

26. Como parte del proceso establecido para seguir desarrollando el sistema multilateral, se recopilarán las enseñanzas extraídas a partir de otros mecanismos internacionales de financiación, como el Fondo de distribución de beneficios del Tratado, el Marco de Preparación para una Gripe Pandémica de la OMS y el Programa de Pequeñas Donaciones del Fondo para el Medio Ambiente Mundial.

---

<sup>39</sup> CBD/COP/DEC/15/4.

<sup>40</sup> CBD/COP/DEC/15/9.

<sup>41</sup> CBD/COP/DEC/15/9.



**Recuadro 1. Anexo de la decisión 15/9 de la COP en el CDB.  
Información digital sobre secuencias de recursos genéticos**

**CUESTIONES QUE DEBEN SEGUIR EXAMINÁNDOSE**

- a) Gobernanza del fondo;
- b) Puntos de activación de la participación en los beneficios;
- c) Contribuciones al fondo;
- d) Potencial para extender voluntariamente el mecanismo multilateral a los recursos genéticos o la diversidad biológica;
- e) Desembolso de beneficios monetarios, incluyendo la información sobre el origen geográfico como uno de los criterios;
- f) Participación en los beneficios no monetarios, incluyendo la información sobre el origen geográfico como uno de los criterios;
- g) Otras opciones de políticas para la participación en los beneficios que se deriven de la utilización de la información sobre secuencias digitales de recursos genéticos, incluidas aquellas que se determinen mediante los análisis ulteriores que se mencionan en los párrafos 6 y 7 de la presente decisión;
- h) Desarrollo de capacidad y transferencia de tecnología;
- i) Seguimiento, evaluación y revisión de la eficacia;
- j) Adaptabilidad del mecanismo a otros instrumentos de movilización de recursos o fondos;
- k) Interfaz entre los sistemas nacionales y el mecanismo multilateral de participación en los beneficios;
- l) Relación con el Protocolo de Nagoya;
- m) Función, derechos e intereses de los pueblos indígenas y las comunidades locales, incluidos los conocimientos tradicionales asociados;
- n) Función e intereses de la industria y el mundo académico;
- o) Vínculos entre la investigación y la tecnología y el mecanismo multilateral de participación en los beneficios;
- p) Principios de la gobernanza de los datos.

***Tratado Internacional sobre los Recursos Fitogenéticos para la Alimentación y la Agricultura***

27. El Órgano Rector del Tratado, en su séptima reunión, examinó la cuestión de la IDS en el contexto del proyecto de programa de trabajo plurianual para 2018-2025. Decidió examinar en su octava reunión las posibles repercusiones del uso de la IDS de recursos genéticos para los objetivos del Tratado, y considerar su inclusión en su Programa de trabajo plurianual en esa reunión.

28. En su octava reunión, el Órgano Rector aprobó la Resolución 13/2019 relativa al Programa de trabajo plurianual, mediante la cual, entre otros asuntos, pedía al Secretario que informara al Órgano Rector en la novena reunión sobre el estado de los debates y resultados de los procesos conexos en el CDB y en la Comisión, en lo que respecta a las posibles repercusiones del uso de la IDS de recursos genéticos para los objetivos del Tratado. El Órgano Rector incluyó asimismo la IDS en su Programa de trabajo plurianual para las reuniones novena y décima.

29. En su novena reunión, el Órgano Rector tomó nota de las últimas deliberaciones del GTCA del CDB en relación con la IDS y pidió al Secretario que continuara haciendo un seguimiento de los debates sobre IDS/datos de secuencias genéticas (DSG) mantenidos en otros foros y coordinándose con las Secretarías del CDB y de la Comisión en cualquier actividad en la materia, con el fin de garantizar la coherencia y evitar la duplicación de trabajos. Alentó a las Partes en el CDB a que, al considerar las posibles decisiones acerca de una solución para la distribución justa y equitativa de los beneficios derivados del uso de la IDS de recursos genéticos, tuvieran en mente la necesidad de aplicar el Tratado y el CDB y su Protocolo de Nagoya para que se refuercen mutuamente. Asimismo, pidió al Secretario del Órgano Rector que invitara a las Partes Contratantes y a las partes interesadas a proporcionar información sobre sus necesidades en materia de aumento de la capacidad de acceso y uso de IDS/DSG y a contar sus experiencias en este sentido. El Órgano Rector hizo también un llamamiento a las Partes Contratantes y a otros donantes con la capacidad de hacerlo para que promovieran la provisión de recursos financieros y asistencia técnica a fin de reducir la brecha de capacidad existente en materia de IDS/DSG entre los países desarrollados y los países en desarrollo<sup>42</sup>.

<sup>42</sup> IT/GB/9/22/Report, Resolution 16/2022.

30. Al decidir reanudar el proceso para mejorar el funcionamiento del Sistema multilateral, el Órgano Rector pidió además a los Copresidentes del restablecido Grupo de trabajo especial de composición abierta para mejorar el funcionamiento del Sistema multilateral de acceso y distribución de beneficios que prestaran una pronta atención a la cuestión de la IDS<sup>43</sup>. Asimismo, el Órgano Rector pidió al Secretario del Tratado que incluyera, en la evaluación de la IDS/DSG prevista en el Programa de trabajo plurianual, la posible repercusión de la IDS/DSG sobre los derechos del agricultor establecidos en el artículo 9 del Tratado<sup>44</sup>.

### ***Organización Mundial de la Salud***

31. La irrupción de la pandemia de la enfermedad por coronavirus (COVID-19) hizo que se volviera a prestar atención a la cuestión del intercambio de patógenos humanos, incluida la IDS conexa.

32. El Marco de Preparación para una Gripe Pandémica (Marco de PIP) para el intercambio de virus gripales y el acceso a las vacunas y otros beneficios como parte de la preparación para una gripe pandémica<sup>45</sup>, adoptado en 2011 por la Asamblea Mundial de la Salud (WHA), busca mejorar la preparación y respuesta contra pandemias de gripe y reforzar la protección frente a las mismas, con el propósito de crear un sistema justo, transparente, equitativo, eficiente y eficaz para, en igualdad de condiciones, intercambiar virus gripales con potencial pandémico para el ser humano y tener acceso a las vacunas y participar de los beneficios. No obstante, aunque el Marco de PIP hace referencia a los “datos de secuencias genéticas”<sup>46</sup> y anima a todos los países a compartir estos datos de forma rápida, sistemática y oportuna<sup>47</sup>, dichos datos no se incluyen en la definición de “Materiales biológicos PIP”. Por lo tanto, el régimen de distribución de beneficios aplicable a los Materiales biológicos PIP en virtud del Marco de PIP no incluye plenamente los DSG. Un grupo de expertos independientes establecido en 2015 por el Director General de la OMS señaló, por un lado, que los principios del Marco seguían siendo igual de pertinentes que en 2011 y concluyó, por otro, que había cuestiones clave que debían abordarse urgentemente para que el Marco de PIP continuara siendo pertinente, incluida la cuestión de cómo deben manejarse los DSG en el contexto del Marco de PIP<sup>48</sup>.

33. La OMS, en respuesta a la Decisión WHA72(13), realizó una encuesta a todas las partes interesadas sobre las prácticas y disposiciones en uso en materia de intercambio de patógenos humanos, la aplicación de medidas de acceso y distribución de beneficios, así como las posibles consecuencias para la salud pública y otras repercusiones. El informe sobre la aplicación de la Decisión WHA72(13) indica, entre otras cosas, que el intercambio oportuno de patógenos, de sus datos de secuencia genética y de los correspondientes metadatos es de vital importancia para posibilitar una pronta identificación, una correcta evaluación del riesgo, el inicio de intervenciones basadas en datos científicos y la subsiguiente elaboración y aplicación de medidas de respuesta, como diagnóstico, vacunas y tratamientos. Asimismo, señala que casi todas las respuestas a la encuesta indicaban que los datos de secuencias genéticas debían diferenciarse del intercambio de muestras físicas, teniendo en cuenta que el beneficio para la salud pública está vinculado a la capacidad de intercambiar secuencias casi al instante en todo el mundo sin ningún costo<sup>49</sup>. La WHA examinó el informe sobre la aplicación de la Decisión WHA72(13) en mayo de 2021.

---

<sup>43</sup> IT/GB/9/22/Report, Resolution 3/2022.

<sup>44</sup> IT/GB/9/22/Report, Resolution 7/2022.

<sup>45</sup> OMS. 2011. *Preparación para una gripe pandémica: Marco para el intercambio de virus gripales y el acceso a las vacunas y otros beneficios*. Ginebra.

<sup>46</sup> Por “secuencias genéticas” se entiende el orden en que aparecen los nucleótidos en una molécula de ADN o ARN. Contienen la información genética que determina las características biológicas de un organismo o virus (Marco PIP, sección 4.2).

<sup>47</sup> Marco de PIP, Sección 5.2.1.

<sup>48</sup> Grupo de Examen del Marco de PIP. 2016. *Examen del Marco de Preparación para una Gripe Pandémica: informe de la Directora General*. Ginebra: Organización Mundial de la Salud, pág. 13.

<sup>49</sup> EB148/21.

34. El intercambio de IDS/DSG también puede desempeñar un papel importante en las negociaciones encaminadas al establecimiento de un convenio, acuerdo u otro instrumento internacional de la OMS sobre prevención, preparación y respuesta frente a pandemias (CA+ de la OMS), que se iniciaron en la segunda reunión extraordinaria de la WHA, celebrada en diciembre de 2021<sup>50</sup>. Según se indica en el documento *Acceso y distribución de beneficios en relación con los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura*<sup>51</sup>, la WHA estableció un órgano de negociación intergubernamental (INB) para elaborar y negociar un proyecto de CA+ de la OMS. En su tercera reunión, celebrada en diciembre de 2022, el INB valoró un proyecto preliminar conceptual, elaborado por la Mesa del INB como “puente entre el anteproyecto y el futuro proyecto preliminar de CA+ de la OMS”<sup>52</sup>. El proyecto preliminar de CA+ de la OMS, elaborado por la Mesa del INB para su consideración por el INB en su cuarta reunión, de marzo de 2023, propone que se establezca un Sistema de la OMS de Acceso y Participación en los Beneficios con respecto a los Patógenos (“Sistema PABS”), de carácter multilateral, para compartir patógenos con potencial pandémico y secuencias genómicas, así como los beneficios derivados de ellos<sup>53</sup>. El proyecto también propone una definición de secuencias genómicas.

35. En su quinta reunión, en abril de 2023, el INB continuó debatiendo el proyecto preliminar de CA+ de la OMS y acordó un proceso a seguir. El INB celebrará, según su calendario y los resultados previstos, otras cuatro reuniones para cumplir con el plazo estipulado por la WHA y presentar sus conclusiones a la 77.<sup>a</sup> WHA, que tendrá lugar en mayo de 2024<sup>54</sup>.

#### ***Acuerdo en el marco de la Convención de las Naciones Unidas sobre el Derecho del Mar relativo a la conservación y el uso sostenible de la diversidad biológica marina de las zonas situadas fuera de la jurisdicción nacional***

36. Tras más de 15 años de debates y negociaciones por parte de los Estados miembros de las Naciones Unidas y los observadores, que culminaron en el reanudado quinto período de sesiones de la Conferencia intergubernamental sobre un instrumento internacional jurídicamente vinculante en el marco de la Convención de las Naciones Unidas sobre el Derecho del Mar relativo a la conservación y el uso sostenible de la diversidad biológica marina de las zonas situadas fuera de la jurisdicción nacional, el 4 de marzo de 2023 se terminó de redactar y se acordó el texto de un proyecto de acuerdo. El proyecto de acuerdo, denominado *Acuerdo en el marco de la Convención de las Naciones Unidas sobre el Derecho del Mar relativo a la conservación y el uso sostenible de la diversidad biológica marina de las zonas situadas fuera de la jurisdicción nacional*<sup>55</sup> (“Acuerdo BBNJ”), está pendiente de adopción.

37. El Acuerdo BBNJ aborda la distribución de los beneficios relativos a los recursos genéticos marinos y la IDS sobre recursos genéticos marinos<sup>56</sup>.

#### ***Organización Mundial de la Propiedad Intelectual***

38. Es posible que la IDS también sea abordada en el instrumento jurídico internacional relativo a la propiedad intelectual, los recursos genéticos y los conocimientos tradicionales asociados a los recursos genéticos, que está negociando el Comité Intergubernamental sobre la Propiedad Intelectual, Recursos Genéticos, Conocimientos Tradicionales y Folclore<sup>57</sup>, establecido por la OMPI en el año 2000<sup>58</sup>.

---

<sup>50</sup> SSA2(5).

<sup>51</sup> CGRFA-19/23/4.2.

<sup>52</sup> A/INB/3/3.

<sup>53</sup> A/INB/4/3.

<sup>54</sup> A/INB/5/3 Rev.1.

<sup>55</sup> <https://www.un.org/bbnj/>.

<sup>56</sup> Véase CGRFA-19/23/4.2, párrs. 18-24.

<sup>57</sup> <https://www.wipo.int/tk/es/igc/index.html>.

<sup>58</sup> CGRFA-19/23/4.2, párrs. 25-28.

## V. REGULACIÓN DEL ACCESO Y LA DISTRIBUCIÓN DE BENEFICIOS CON RESPECTO A LA INFORMACIÓN DIGITAL SOBRE SECUENCIAS DE RECURSOS GENÉTICOS

39. Actualmente, muy pocos países parecen exigir consentimiento fundamentado previo (CFP) y condiciones mutuamente acordadas (CMA) cuando solo se busca acceder a la IDS (no a los recursos genéticos físicos)<sup>59</sup>. Algunos países, aunque no restringen el acceso a la IDS, exigen que se compartan los beneficios derivados de la IDS obtenida a partir de recursos genéticos. Es preocupante que, en ausencia de un acuerdo mundial sobre ADB para la IDS, cada vez sea mayor el número de países que podrían adoptar medidas internas de ADB para la IDS.

40. A escala mundial, las consultas celebradas en los últimos cinco años, en particular en el marco del CDB, han generado diferentes opciones para la regulación del ADB para la IDS. Basándose en los resultados del último informe de los corresponsables sobre la labor del GOA<sup>60</sup>, establecido en el marco del CDB, pueden distinguirse al menos 11 opciones, incluidas las subopciones:

- |     |             |   |
|-----|-------------|---|
| 1)  | Opción 0    | <i>Statu quo</i>  |
| 2)  | Opción 1    | La IDS se trata como recursos genéticos, donde se aplican el CFP y las CMA del país   |
| 3)  | Opción 2.1  | La IDS requiere unas CMA del país, pero no el CFP   |
| 4)  | Opción 2.2  | La IDS requiere unas CMA normalizadas internacionales y sin CFP   |
| 5)  | Opción 3.1  | El acceso a la IDS requiere pago  |
| 6)  | Opción 3.2a | Pago/impuesto por servicios y productos como insumos para la investigación  |
| 7)  | Opción 3.2b | Bonos y etiquetas vinculados a contribuciones voluntarias   |
| 8)  | Opción 3.2c | Impuesto sobre los productos derivados del uso de la IDS  |
| 9)  | Opción 4    | Colaboración tecnológica y científica y creación de capacidad mejoradas   |
| 10) | Opción 5    | No se comparten los beneficios del uso de la IDS  |
| 11) | Opción 6    | Impuesto del 1 % sobre las ventas al por menor de productos que utilizan la diversidad biológica (propuesta africana) <sup>61</sup> |

<sup>59</sup> *Fact-finding Study on How Domestic Measures Address Benefit-sharing Arising from Commercial and Non-commercial Use of Digital Sequence Information on Genetic Resources and Address the Use of Digital Sequence Information on Genetic Resources for Research and Development* (CBD/DSI/AHTEG/2020/1/5).

<sup>60</sup> *Co-leads' report on the work of the Informal Co-Chairs' Advisory Group on digital sequence information on genetic resources since the fourth meeting of the Open-ended Working Group on the Post-2020 Global Biodiversity Framework* (CBD/WG2020/5/INF/1).

<sup>61</sup> CBD/WG2020/5/3, pág. 3.

<b>Recuadro 2. Lista de criterios y subcriterios</b>	
<b>A. Eficaz para lograr los objetivos</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>1. Posibilidades de proporcionar beneficios monetarios previsible</li> <li>2. Posibilidades de proporcionar beneficios no monetarios previsible</li> <li>3. El acceso a las bases de datos públicas sigue siendo abierto</li> <li>4. No obstaculiza la investigación y la innovación</li> <li>5. Potencial para contribuir a la conservación y la utilización sostenible de la diversidad biológica</li> </ul>
<b>B. Eficaz y viable de implementar</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>6. Técnicamente viable</li> <li>7. Jurídicamente viable</li> <li>8. Jurídicamente claro y seguro de aplicar</li> <li>9. Administrativamente sencillo</li> <li>10. Aplicable en los próximos dos años</li> <li>11. Permite distinguir entre el uso comercial y no comercial de la IDS</li> <li>12. El costo de creación y aplicación es razonable/mínimo</li> </ul>
<b>C. Permite la buena gobernanza</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>13. Fácil de entender por proveedores y usuarios</li> <li>14. Fácilmente ejecutable por los proveedores</li> <li>15. Facilidad de cumplimiento para los usuarios</li> <li>16. NO da lugar a la búsqueda de la jurisdicción más favorable</li> <li>17. Facilita la participación en los beneficios de los Pueblos Indígenas y las comunidades locales</li> </ul>
<b>D. Coherente y adaptable</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>18. Coherencia con otros foros que consideran la IDS</li> <li>19. Ágil y adaptable al futuro desarrollo tecnológico y científico</li> </ul>

*Fuente: CBD/WG2020/5/3.*

41. El GOA evaluó estas opciones siguiendo un enfoque matricial con arreglo a una serie de criterios, enumerados en el Recuadro 2, y la mayoría de sus miembros opinaron que las opciones 3.2b, 3.2c y 6 debían examinarse más a fondo (o señalaron la necesidad de más información). La opción 4 obtuvo las puntuaciones más favorables en la matriz, y todos los miembros del GOA estimaron que debía considerarse más a fondo, al menos como parte de una solución en combinación con otra opción u opciones. Es importante señalar que no todos los criterios tienen el mismo peso y que una evaluación significativa de las diferentes opciones con arreglo a los criterios no solo exige un entendimiento común o incluso un consenso sobre los criterios, sino también sobre su importancia relativa.

42. Los criterios enumerados en el Recuadro 2 son genéricos. Aunque el “potencial para contribuir a la conservación y la utilización sostenible de la diversidad biológica” (A.5) es uno de los criterios utilizados por el GOA para evaluar las diferentes opciones, ninguno de los criterios refleja la naturaleza especial de los RGAA, sus características y problemas distintivos y la necesidad de soluciones distintivas. Por otra parte, la lista de criterios exige “coherencia con otros foros que consideran la IDS” (D.18), lo que denota apertura, disposición a tener en cuenta consideraciones pertinentes para el tratamiento de la IDS en otros sectores. Si bien algunas decisiones pueden haber quedado obsoletas tras la decisión de establecer un mecanismo multilateral de IDS, otras opciones siguen siendo válidas.

43. Los actuales debates sobre la IDS giran en torno a dos modelos diferentes: el enfoque multilateral y el denominado enfoque híbrido. Ambos enfoques tienen en común que no restringirían el acceso a la IDS. Sin embargo, el uso de la IDS exigiría la participación en los beneficios. Conforme al enfoque multilateral, los beneficios generados, por ejemplo, mediante un impuesto sobre los productos derivados del uso de la IDS se depositarían en un fondo mundial que también estaría abierto a contribuciones voluntarias procedentes de todas las fuentes. Conforme al enfoque híbrido, las modalidades de distribución de beneficios tendrían que negociarse con el país de origen de los recursos genéticos de los que se obtuvo la IDS, siempre y cuando se conozca el país de origen. Cuando se utilice la IDS de recursos genéticos de diversos países, los beneficios tendrían que compartirse mediante un mecanismo multilateral con los países de origen de los recursos genéticos de los que se obtuvo la IDS. Cuando no pueda determinarse el país de origen del recurso genético del que se obtuvo la IDS, los beneficios tendrían que depositarse, al igual que en el enfoque multilateral, en un fondo mundial.

44. En el caso de ambos enfoques, sería necesario establecer los criterios para el desembolso de fondos depositados en el fondo mundial. La interfaz entre las medidas nacionales de ADB que dependan de la distribución bilateral de los beneficios y el mecanismo multilateral de distribución de beneficios es una de las cuestiones que deberá tener en cuenta el grupo de trabajo especial de composición abierta sobre participación en los beneficios que se deriven de la utilización de IDS de recursos genéticos en el desarrollo del mecanismo multilateral<sup>62</sup>.

## VI. ORIENTACIÓN QUE SE SOLICITA

45. La Comisión tal vez desee:

- i) tomar nota de la información proporcionada en el presente documento y del proyecto de estudio titulado *The role of digital sequence information for the conservation and sustainable use of genetic resources for food and agriculture: Opportunities and challenges* (Función de la información digital sobre secuencias en la conservación y la utilización sostenible de los recursos genéticos para la alimentación y la agricultura: oportunidades y desafíos);
- ii) invitar a los Miembros a que coordinen en lo sucesivo el trabajo sobre IDS, incluido el ADB para la IDS, entre los correspondientes ministerios a nivel nacional, con miras a garantizar la coherencia y el apoyo mutuo de los procesos en curso en los diferentes foros;
- iii) solicitar a la Secretaría que:
  - a. invite a los Miembros a presentar información sobre las medidas nacionales relativas al acceso y la distribución de beneficios aplicables a la IDS y sus implicaciones reales o potenciales para la conservación y la utilización sostenible de los RGAA, incluidos el intercambio, el acceso y la justa y equitativa distribución de los beneficios derivados de su uso, y reúna esta información para información de la Comisión;
  - b. continúe realizando un seguimiento de las novedades relativas a la IDS que se produzcan en otros foros, con miras a considerar sus posibles implicaciones, incluidas las oportunidades y los desafíos potenciales para la Comisión y sus Miembros;
  - c. continúe organizando, en colaboración con las secretarías del CDB y el Tratado, talleres virtuales de participación abierta sobre la IDS, según proceda, con vistas a informar y sensibilizar a los Miembros de la Comisión, a los observadores y a las partes interesadas sobre las últimas novedades en materia tecnológica y de políticas relacionadas con la IDS.

---

<sup>62</sup> Véase el punto *k* del Recuadro 1.